

岡山大学記者クラブ、文部科学記者会、科学記者会御中

令和 3 年 4 月 22 日 岡 山 大 学

機械学習(Sparse 解析)とゲノム編集を活用した抗ウイルス活性物質の増産 ~眠れる宝の山、核酸系抗生物質の社会実装を目指す~

◆発表のポイント

- ・放線菌 *Streptomyces incarnatus* が生産する核酸系抗生物質(注 1)シネフンギンは SARS コロナ, デング熱,猫ヘルペスなど人畜感染ウイルスの細胞内増殖を強く抑制します。しかし生産量が極 微量であるために社会的に活用されていません。
- ・.本研究では、機械学習 Sparse 解析(注 2)で設計した変異コードを放線菌の転写装置に導入するゲノム編集技術を確立することにより、抗ウイルス薬シネフンギン(注 3)の増産技術を開発しました。
- ・抗ウイルス抗生物質は数多くの文献に報告されていますが、医薬品として実用化されたものは 皆無です。本研究による遺伝子覚醒技術は抗ウイルス薬を社会で利用する路を切り開きます。

岡山大学学術研究院 環境生命科学学域の田村 隆教授と山本倫生准教授, 坂本 亘教授, および京大, 東大, 神戸大などの共同研究グループは, 抗ウイルス活性, 抗原虫活性, 抗真菌活性を持つ核酸系抗生物質シネフンギンの増産技術を開発しました。シネフンギンは発酵生産にかかわる遺伝子群が休眠状態にあり, 極微量(< 2 ppm)しか生産されません。そこで遺伝子発現のボトルネックである転写装置 RNA ポリメラーゼ(RNAP) (注 4) を任意に改変できるゲノム編集技術を開発しました。次に RNAP の突然変異効果の文献データをアミノ酸パラメータ AAIndex に参照してSparse 解析を行い, 機械学習に基づく多重変異コードを設計しました。ゲノム編集技術を用いて変異導入した結果, 高生産株が得られました。さらに量子化学計算により変異導入箇所は RNAP の内部アミノ酸残基と mRNA の強い相互作用が示され, 今後の変異設計に利用できる新知見が得られました。これらの成果は令和 3 年 1 月 20 日、日本農芸化学会英文誌 Biosci. Biotechnol. Biochem. に掲載されました。本研究成果はウイルス感染症の治療薬として期待されながら社会的にまったく利用されていない核酸系抗生物質の実装化に導く重要な起点になると期待されます。

◆研究者からのひとこと

「抗生物質はウイルスには効かない。」と世間一般には言われていますが、ウイルスの増殖を抑え込む抗生物質の報告が多数あります。これら核酸系抗生物質はウイルスが特異的に持つ代謝システムや酵素反応を阻害する選択毒性を発揮します。私は平成5年に本学農学部助手に着任して以来、核酸系抗生物質の増産研究に取り組んできました。核酸系は突然変異株の選抜を繰り返す通常の微生物育種では増産が困難でしたが、本研究により転写装置の改変という新しい手法を開拓しました。眠れる宝の山を社会的に活用することを本学におけるSDGs 課題として取り組んでいます。





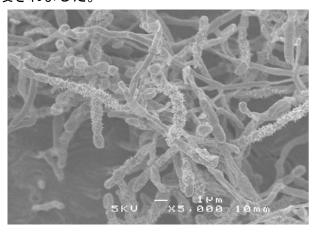
■発表内容

く現状>

抗生物質の約7割が放線菌が生産する発酵産物であり、放線菌は産業的にも重要な微生物です。 放線菌のゲノム情報が続々と解読されて公開され、 β ラクタム系やマクロライド系など主要な抗生 物質であれば生合成遺伝子群をゲノム情報の中に同定することができます。しかし核酸系抗生物質 は検索可能な相同配列が見つかっておらずゲノム情報から生合成遺伝子群を同定することは困難 です。しかし生合成遺伝子が未同定でも転写装置 RNAP の効率を改善すれば遺伝子発現はアップす るという考え方も提案され実践的に検証されてきました。

<研究成果の内容>

Streptomyces incarnatus NRRL8089 のシネフンギン生産能を強化するために、まず初めにゲノム 上の RNA ポリメラーゼ (RNAP) をコードする遺伝子を任意に改変するゲノム編集技術を開発しま した。この放線菌は形質転換が難しい微生物でしたが接合伝達(注5)によって大腸菌から遺伝子 を送り込み、相同組換えにより転写活性化に寄与する D447、S453、H457、および R460 の 4 残基を 自在に書き換える方法を確立しました(特許 6139139 号)。つぎに様々な抗生物質生産の増産効果 が報告されていた H457X 変異効果の文献値を機械学習 Sparse 解析によりアミノ酸ビックデータ AAIndex から高い相関性をもつパラメータを抽出しました。その結果、H457R/Y/F が高い増産効果 を持つ可能性が示されました。H457R 変異を採用した dsRC 株はシネフンギン生産を 3 倍に高めま した。RNAP/dsDNA/mRNA 複合体構造の中で変異導入の標的となる 4 残基はmRNA 鎖と相互作用でき る位置にありました。密度汎関数に基づくマリケン電荷の計算により、これらの4残基は分子複 合体内部において mRNA と直接接触しており転写装置のブレーキのような役割を果たしていると示 mRNA 唆されました。 subunit α



subunit β□ subunit β dsDNA

R460

Streptomyces incarnatus

NH₂ H₂N. 'nΗ 抗ウイルス活性物質 シネフンギン COOH H₂N

RNAP/dsDNA/ mRNA 複合体

変異導入箇所 D447, S453, H457. R460 と mRNA



PRESS RELEASE

<社会的な意義>

本研究成果は、抗ウイルス剤だけでなく抗がん剤、抗真菌剤、抗原虫剤としても有用な他の核酸系抗生物質の増産にも適用可能な生物生産技術です。今後、変異導入効果を機械学習で精錬して有効な多重変異コードを算出して世界の医療現場に新たな抗ウイルス抗生物質を提供できるように研究開発を進めていきます。

■論文情報等

論 文 名: Multiple mutations in RNA polymerase β-subunit gene (rpoB) in Streptomyces

incarnatus NRRL8089 enhance production of antiviral antibiotic sinefungin: modeling rif

cluster region by density functional theory

邦 題 名: Streptomyces incarnatus NRRL8089 の RNA ポリメラーゼβサブユニット遺伝子 rpoB

の複数の変異は、抗ウイルス抗生物質 sinefungin の産生を増強します: 密度汎関数理

論による rif クラスター領域のモデリング

掲載誌: Bioscience, Biotechnology & Biochemistry (Oxford University Press 出版)

著 者: Saori Ogawa, Hitomi Shimidzu, Koji Fukuda, Naoki Tsunekawa1, Toshiyuki Hirano,

Fumitoshi Sato, Kei Yura, Tomohisa Hasunuma, Kozo Ochi, Michio Yamamoto, Wataru Sakamoto, Kentaro Hashimoto, Hiroyuki Ogata, Tadayoshi Kanao, Michiko Nemoto, Kenji

Inagaki, and Takashi Tamura

D O I: https://doi.org/10.1093/bbb/zbab011

発表論文はこちらからご確認できます。

https://academic.oup.com/bbb/advance-article/doi/10.1093/bbb/zbab011/6105261

■研究資金

本研究は、両備檉園記念財団(平成 22 年度)および科学技術振興財団 (JST)「研究成果最適展開支援事業」(A-STEP【FS】ステージ探索タイプ・AS221Z03753E, AS231Z01635G, AS242Z00693、研究代表:田村 隆)の支援を受けて実施しました。

■関連出願特許

名 称:変異型 RNA ポリメラーゼ β -サブユニット遺伝子

出願番号: 特願 2013-003150 号

出 願 日:2013年1月11日

登 録:6139139 号 2017 年 5 月 12 日

出 願 人:国立大学法人岡山大学



PRESS RELEASE

■補足・用語説明

1) 核酸系抗生物質

放線菌が生産する抗生物質の中で、核酸と類似した構造をもつ抗生物質の総称。マクロライド系、ペプチド系ほど医薬品として利用されてはいないが、レトロウイルス、マラリア原虫などに効くものが多い。

2) Sparse 解析

限られた実験データに対して大量のパラメータセットを参照して、実験値と相関をもつデータセットを探索する機械学習。20種類のアミノ酸の物理化学パラメータセット AAIndex は、アミノ酸残基の疎水性、局在性、親水性などの定量的パラメータである。RNAP に導入した変異残基がもたらす増産効果を AAIndex との相関係数を算出しながら有用な Index を探索した。

3) シネフンギン

放線菌 Streptomyces incarnatus が生産する核酸系抗生物質。RNA ウイルスの増殖に必須の RNA メチル化修飾を強く阻害する。メチル化を阻害されると RNA 分子は分解されるのでウイルスは細胞内で増殖することができなくなる。

4) RNA ポリメラーゼ

RNA ポリメラーゼは、遺伝子発現の中で DNA から mRNA への転写の過程を触媒する。RNA ポリメラーゼの β サブユニットをコードする遺伝子が rpoB である。

5) 接合伝達

多くの放線菌は、外来遺伝子を受け入れる能力が乏しく、*rpoB* 改変を検討する上で大きな障壁になる。接合伝達は、大腸菌細胞から放線菌に改変遺伝子を送り込む方法でこの問題を克服する上で有効な手段となる。

くお問い合わせ>

岡山大学学術研究院環境生命科学学域(農)

教授 田村 隆

(電話番号) 086-251-8293 (FAX番号) 086-251-8388













岡山大学は持続可能な開発目標(SDGs)を支援しています。