

## ハイスループットシングルセル技術を用いた RNA-Seq 解析

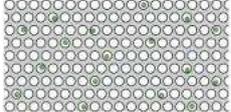
【セミナー要旨】 近年、ハイスループットシングルセルRNAseq解析が一般化しヘテロな細胞集団の特徴を正確に捉えることができるようになって参りました。 Human-Cell-Atlasプロジェクトに代表されるように、1細胞の解像度でヒトやマウスの組織や個体レベルの遺伝子マップを作製しようとする動きも活発化しており、シングルセル解析のハイスループット化が進んでいます。本セミナーではこれからシングルセル解析に取り組まれる方から現在取り組んでいる方までを対象に、ハイスループットシングルセル解析の技術および実例を含めて紹介をさせていただきます。

### BD Rhapsody scRNA-Seq解析システム

マイクロウェル方式の細胞単離



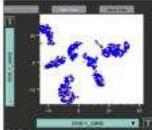
細胞見える化の安心・確実なフロー



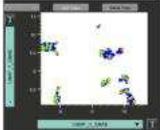
SeqGeq解析ソフトウェア

2次解析用ソフトウェア  
ドラッグ&ドロップの直感操作  
これからscRNA-Seq解析を始め方に特におすすめ。

ISNE



UMAP



可能なアプリケーション

- 全トランスクリプトーム解析 (WTA)
- ターゲット遺伝子発現解析 (数百種類の遺伝子、免疫系パネル・カスタムアッセイ)
- サンプルマルチプレックスキット (最大12サンプルの同時解析)
- 表面タンパク質とmRNAの同時解析 (BD AbSeq)
- TCR/BCR kit (T細胞、B細胞の完全長VDJ解析)

お問い合わせ先



日時：2022年9月21日（水曜日）13時30分～14時30分

場所：Web (Zoom 参加事前登録リンクおよび2次元バーコード)



注意：前日までに登録をお願いします。

[https://zoom.us/meeting/register/tJMtGvriMjH9Z91iKjbSAX\\_t6VVZQ4f83b](https://zoom.us/meeting/register/tJMtGvriMjH9Z91iKjbSAX_t6VVZQ4f83b)

対象：興味のある方（学内・学外を問いません）

演者：細野 直哉 / アプリケーションサイエンティスト，バイオストリーム株式会社

本機器は共同実験室にはありません。今現在、購入予定もありません。

本件担当：共同実験室イソモト：kyo3@okayama-u.ac.jp